

姓名	吉加兵	性别	男	
出生日期	1966.9	职称	教授	
学历	研究生	学位	博士	
毕业院校	美国佐治亚大学	学科专业	植物生物学	
任课名称	园艺植物分子生物学、园艺植物生物信息学			
电话	13770536595	EMAIL	jijiabing_solab@163.com	
学习和工作简历	<p>1982- 1986 南京农业大学园艺系蔬菜专业 本科</p> <p>1986- 1989 南京农业大学园艺系蔬菜育种 硕士研究生</p> <p>2001- 2006 美国 University of Georgia 植物生物学系 博士研究生</p> <p>1989- 1992 江苏农科院蔬菜所研究实习员</p> <p>1992- 1998 江苏农科院蔬菜所助理研究员</p> <p>1998.07- 1998.09 以色列希伯来大学学习生物技术</p> <p>2000.04- 2000.09 荷兰 Wageningen 大学访问学者</p> <p>1998- 2000 江苏农科院蔬菜所副研究员, 西甜瓜研究室主任, 全国西甜瓜抗病育种协作组副组长</p> <p>2006.08-2007.10 美国 Rice 大学生化与细胞生物学系博士后</p> <p>2007.10-2009.03 美国 Baylor 医学院 CAGT 博士后</p> <p>2009.03-2010.07 美国 Purdue 大学园艺系博士后</p> <p>2010.07-2013.03 美国 Purdue 大学植物学与植物病理学系博士后/项目经理</p> <p>2013.06-2016.10 南京农业大学农学院 教授 博士生导师</p> <p>2016.11-2017.03 华大基因 高级研究员</p> <p>2017.04-2020.03 中国农业科学院深圳农业基因组研究所 研究员</p> <p>2020.04-至今 南京农业大学园艺学院 教授</p> <p>目前主要从事西瓜甜瓜分子生物学、生物信息学和基因组学的研究</p>			
科研项目				
发表论文	<p>1. Guan-Feng Wang, Jiabing Ji, Farid El-Kasmi, Jeffery L. Dangl, Guri Johal, Peter Balint-Kurti. 2015 Molecular and functional analyses of a maize autoactive NB-LRR protein identify precise structural requirements for activity. Plos Pathogens 11: e1004674</p> <p>2. Bode A Olukolu, Guan-Feng Wang, Vijay Vontimitta, Bala P Venkata, Sandeep Marla, Jiabing Ji, Emma Gachomo, Kevin Chu,</p>			

Adisu Negeri, Jacqueline Benson, Rebecca Nelson, Peter Bradbury, Dahlia Nielsen, James B Holland, Peter J Balint-Kurti, Gurmukh Johal. 2014 A genome-wide association study of the maize hypersensitive defense response identifies genes that cluster in related pathways. *Plos Genetics* 10: e1004562

3. Bode A, Olukolu, Adisu Negeri, Rahul Dhawan, Bala P. Venkata, Pakaj Sharma, Anshu Garg, Emma Gachomo, Sandeep Marla, Kevin Chu, Anna Hasan, Jiabing Ji, Satya Chintamanani, Jason Green, Chi-Ren Shyu, Randall J. Wisser, James B. Holland, Guri Johal and Peter Balint-Kurti. 2012 A Connected Set of Genes Associated with Programmed Cell Death Implicated in Controlling the Hypersensitive Response in Maize. *Genetics*: December 5, 2012 genetics.112.147595

4. Ji J. (通讯作者) and Wang RF. 2012 Molecular cloning of large alternative transcripts based on comparative phylogenetic analysis and exploration of an EST database. *Analytical Biochemistry* 424:140-141.

5. Chaikam V, Negeri A, Dhawan R, Puchaka B, Ji J, Chintamanani S, Gachomo EW, Zillmer A, Doran T, Weil C, Balint-Kurti P, Johal G. 2011 Use of Mutant-Assisted Gene Identification and Characterization (MAGIC) to identify novel genetic loci that modify the maize hypersensitive response. *Theor Appl Genet.* 123(6):985-97.

6. Cui J, Zhu L, Xia X, Wang HY, Legras X, Hong J, Ji J, Shen P, Zheng S, Chen ZJ and Wang RF 2010 NLRC5 Negatively Regulates the NF-kappaB and Type I Interferon Signaling Pathways. *Cell* 141:483-496.

7. Ji J. (通讯作者) and Braam J. (通讯作者) 2010 Restriction Site Extension PCR: a novel method for high-throughput characterization of tagged DNA fragments and genome walking. *PLoS ONE* 5(5): e10577. doi:10.1371/journal.pone.0010577.

8. Ji J, Shimizu R, Sinha N, Scanlon MJ. 2010 Analyses of WOX4 transgenics provide further evidence for the evolution of the WOX gene family during the regulation of diverse stem cell functions.

Plant Signaling & Behavior 5 (7):916-20.

9. Ji J, Strable J, Shimizu R, Koenig D, Sinha N, Scanlon MJ. 2010 WOX4 promotes procambial development. Plant Physiology 152(3):1346-56.

10. Shimizu R*, Ji J*(*并列第一作者), E.Kelsey, K. Ohtsu, P. Scanable, and Scanlon MJ. 2009 Tissue specificity and evolution of meristematic WOX3 function. Plant Physiology 149(2): 841- 850.

11. Nardmann J*, Ji J* (*并列第一作者), Werr W, and Scanlon MJ. 2004 The maize duplicate genes narrow sheath1 and narrow sheath2 encode a conserved homeobox gene function in a lateral domain of shoot apical meristems. Development 131(12): 2827-2839. (Cover)